

SGIEB054-00: Sol·licitud per NGS MODUL B		Data inici:	Data final:
UAB Universitat Autònoma de Barcelona Serveis Científicotècnics Servei de Genòmica i Espectroscòpia de Biomolècules		Servei de Genòmica i Espectroscòpia de Biomolècules Carrer de la Vinya s/n Universitat Autònoma de Barcelona Edifici Mòdul de Recerca B (MRB) 08193 Bellaterra (Barcelona) Telèfon: 935868945 Horari: de 8:30 a 16:30h de dilluns a divendres	
Números de Sol·licitud:			
Codi Usuari SGIEB:		☐ Acceptació Data:	☐ Rebuig Inicials:
		e-mail: sgieb@uab.cat web: https://www.uab.cat/ca/servei-genomica	

A. Dades de l'Usuari (* camps obligatoris)			
*Departament/Empresa/Grup de Recerca:		Adreça:	
*CIF Empresa:	*Projecte:	*Centre Gestor:	*Telèfon:
*e-mail:	N. Oferta:		N. Comanda:
*Usuari:		*Responsable Projecte:	
Signatura Sol·licitant:		*Signatura Responsable:	
Data Sol·licitud:		*Data Autorització:	

B. Indiqueu el tipus d'assaig sol·licitat (a omplir per l'usuari)		
Preparació llibreria (Illumina) ☐ WGS (DNA genòmic) ☐ Amplicons PCR Mida (bp): ☐ Metagenòmica (shotgun) DNA genòmic ☐ Metagenòmica d'amplicons ☐ 16S (V3-V4) ☐ ITS ☐ SSU arquees ☐ Altres primers: RNAseq (bulk): ☐ Poly(A) mRNA ☐ Total RNA amb depleció de rRNA: Espècie/regne: ☐ RNA virus ☐ Sense depleció d'hoste ☐ Amb depleció d'hoste Espècie (hoste): ☐ Altres llibreries Illumina:	Seqüenciació Illumina MiSeq i100 Plus: ☐ 5 M amb els cicles: ☐ 100: x ☐ 25 M ☐ 300: x ☐ 50 M ☐ 600: x ☐ 100 M amb els cicles: ☐ 100: x ☐ 300: x NextSeq 1000: ☐ 100 M (P1) amb els cicles: ☐ 100: x ☐ 400 M (P2) ☐ 300: x ☐ 600: x (Ex. Single-end: 1 x 300) (Ex. Paired-end: 2 x 150) ☐ QC per seqüenciació pool Illumina ☐ Custom primers ☐ Anàlisi Basespace App:	Preparació llibreria (ONT) ☐ WGS (DNA genòmic) mostra única Ligation Seq kit ☐ WGS (DNA genòmic) amb barcoding Native Seq kit ☐ WGS (DNA genòmic) amb barcoding Rapid barcoding kit ☐ Amplicons PCR (amb barcoding) Mida (bp): ☐ Metagenòmica d'amplicons ☐ 16S full length amb PCR barcoding ☐ Altres llibreries ONT: Seqüenciació GridION (ONT) ☐ Flow cell: FLO MIN114 (R10) ☐ Anàlisi EPI2ME (consultar) ☐ Ús GridION (autoservei) Altres serveis:

C. Instruccions per a omplir aquest formulari:
- Omplir els camps obligatoris (*) dels requadres A, D i E. Les sol·licituds que no continguin aquesta informació podran ser desestimades. Usuaris UAB: número de projecte i número centre de cost Usuaris externs: CIF de l'empresa - L'entrega dels resultats i qualsevol altra comunicació amb el client es farà per correu electrònic i/o telèfon (Ex: si les mostres no passen el QC, no hi ha prou volum de mostra, mostra mal etiquetada, etc.). - Contacteu-nos per correu electrònic o telèfon i expliqueu-nos els detalls del vostre experiment d'NGS. Aquest contacte inicial és necessari per poder-vos assessorar i determinar si el projecte és viable al nostre Servei. - Entregar o enviar les mostres en bon estat de conservació: en gel o neu carbònica (DNA) o neu carbònica (RNA). - Per a formalitzar l'entrega de les mostres, ens haureu de facilitar les següents dades i enviar-nos-les per correu electrònic en una taula Excel amb la següent informació: - Nom mostra en format alfanumèric (sense espais ni guions, només “_”) - Tipus d'àcid nucleic (DNA genòmic, cDNA, RNA total, etc) - L'origen de la mostra: virus, eucariota, procariota i espècie (o en el seu defecte grup taxonòmic) o mostres complexes (aigües, femtes, fangs, etc).

- Volum (µl)
 - Buffer d'elució utilitzat (*nuclease-free water*, low TE, Tris 10mM, etc)
 - Concentració (ng/µl): indicar si s'ha mesurat amb Nanodrop o Qubit.
 - Ratios: 260/280 i 260/230
 - Integritat de l'RNA: RIN (*obligatori per a RNAseq*). Per RNAseq, en cas que no s'aporti el valor del RIN es realitzarà l'anàlisi d'integritat a l'SGiEB.
 - Integritat del DNA i mida (bp): si no s'aporta informació, l'SGiEB realitzarà l'anàlisi per als assajos d'Oxford Nanopore.
 - Entregar les mostres en una placa de 96 pouets (0,2 ml) i ben segellada, si s'entreguen més de 20 mostres. Especificar les coordenades de cada mostra a la placa a l'arxiu Excel.
 - Per a l'entrega de *pools* de llibreries, cal especificar la mitjana dels fragments (bp) utilitzada per calcular la concentració (nM). A més, l'SGiEB realitzarà un control de qualitat previ amb la TapeStation. Si el pool no passa aquest control o si hi ha alguna anomalia, l'SGiEB us informará per correu electrònic i/o telèfon. **Important:** caldrà enviar-nos la informació necessària per a fer el demultiplexing.
6. Per a altres tipus de Serveis no inclosos en aquesta sol·licitud o informació addicional, si us plau, visiteu la nostra pàgina web.
7. Per a qualsevol dubte o aclariment, contacteu amb nosaltres a través del nostre correu electrònic sgieb@uab.cat o per telèfon (Mòdul B) 935868945.

D. Sobre les mostres*:

Riscos/precaucions:

Condicions de conservació de les mostres:

Destí final de les mostres: ☐ Eliminar ☐ Retornar ☐ Guardar durant _____ dies

E. Ompliu la taula segons apliqui i especifiqueu els arxius adjunts*:

☐ Taula mostres (Excel) → enviar a sgieb@uab.cat

☐ Taula demultiplexing: llibreries/mostres al pool amb la seqüència i ID dels índex → enviar a sgieb@uab.cat

Núm.	ID mostra	Tipus	Origen	Volum (µl)	Buffer	ng/ul Nanodrop	260/280	260/230
1.								
2.								
3.								
4.								
5.								
6.								
7.								
8.								
9.								
10.								
11.								
12.								

F. Comentaris i Observacions:

G. Informació i condicions realització del servei:

- Els resultats NGS generats amb la plataforma d'Illumina s'enviaran per correu electrònic amb un enllaç compartit al núvol d'Illumina (Basespace). Caldrà registrar-se prèviament amb un compte propi (gratuït) a [Basespace Sequence Hub Frankfurt](https://basespace.illumina.com/). En el cas de la plataforma d'Oxford Nanopore, els resultats s'hauran de copiar en un disc dur extern aportat pel client (o per l'SGiEB, amb retorn), de manera temporal.
 - Les mostres i dades originals es guardaran durant màxim mig any (**sis mesos**). Per tant, és necessari generar una còpia de seguretat de les dades ja que l'SGiEB no se'n fa responsable passat aquest termini.
 - Els resultats s'entregaran al més aviat possible segons converses mantingudes prèviament amb el personal de l'SGiEB.
 - Les mostres queden codificades i es garanteix la seva traçabilitat.
 - El client amb la seva signatura expressa: conèixer i acceptar les condicions per la realització dels assaigs i entrega de mostres publicades a la web del servei entre elles omplir adequadament aquest document. L'acceptació implica el compromís de pagament de les despeses del treball independentment del seu resultat.
 - Per autoserveis **caldrà ser usuari autoritzat**, respectar les instruccions de treball de l'SGiEB i omplir els registres necessaris.
 - Podeu exercir els vostres drets d'accés, rectificació, supressió, oposició, limitació del tractament i portabilitat enviant la vostra sol·licitud al responsable del tractament a l'adreça: sgieb@uab.cat
- Podeu obtenir informació addicional i detallada sobre les finalitats i el tractament de les vostres dades personals en el següent enllaç:
<https://www.uab.cat/ca/servei-genomica/qualitat>